

*Supplementary Material***Microbial diversity in a submarine hydrothermal chimney from the serpentinized system of the Prony Bay (New Caledonia) over a 6 years period.**

**Anne Postec<sup>1\*</sup>, Marianne Quéméneur<sup>1</sup>, Méline Bes<sup>1</sup>, Nan Mei<sup>1</sup>, Fatma Benaïssa<sup>1</sup>, Claude Payri<sup>2</sup>, Bernard Pelletier<sup>2</sup>, Christophe Monnin<sup>3</sup>, Linda Dombrowsky<sup>1,2</sup>, Bernard Ollivier<sup>1</sup>, Emmanuelle Gérard<sup>5</sup>, Céline Pisapia<sup>5</sup>, Martine Gérard<sup>4</sup>, Bénédicte Ménez<sup>5</sup>, Gaël Erauso<sup>1\*</sup>.**

1 Aix Marseille Université, CNRS/INSU, IRD, Mediterranean Institute of Oceanography, UM110, 13288 Marseille, France

2 Institut pour la Recherche et le Développement, Centre de Nouméa, promenade Laroque, 98848 Nouméa, Nouvelle-Calédonie

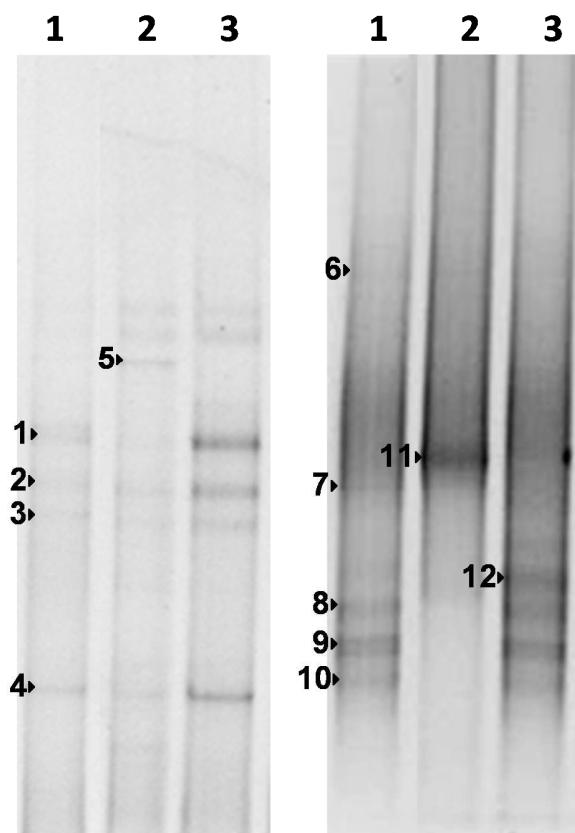
3 Géosciences Environnement Toulouse, UMR 5563, 14 avenue Édouard Belin, 31400 Toulouse

4 Institut de Minéralogie et de Physique des Milieux Condensés, 4 place Jussieu, 75005 Paris, France

5 Institut de Physique du Globe de Paris, Sorbonne Paris Cité, Univ. Paris Diderot, CNRS, 75005 Paris, France

\* Correspondence: [anne.postec@univ-amu.fr](mailto:anne.postec@univ-amu.fr) and [gael.erauso@univ-amu.fr](mailto:gael.erauso@univ-amu.fr)

A (*Bacteria*) B (*Archaea*)



**Supplementary Figure 1. DGGE profiles of the bacterial (A) and archaeal (B) PCR-amplified 16S rRNA gene fragments obtained from chimney samples collected in 2005 (lanes 1), 2010 (lanes 2) and 2011 (lanes 3). Arrows indicate gel portions that were excised and PCR re-amplified for sequencing.**